

Modellierung und Simulation in der Chemie Vom Molekülcluster zum Protein und darüber hinaus



Arbeitsgruppe Prof. Alfons Geiger Physikalische Chemie, Universität Dortmund

Ab inito Berechnung H-brücken-gebundener molekularer Cluster







ethanol







2,2-dimethyl-3-ethyl-3-pentanol (dmep)

Intermolekulare Schwingungen



Streckschwingung der H-Brücke

 (88 cm^{-1})

Deformationsschwingung der H-Brücke (110 cm⁻¹)

Quantum Cluster Equilibrium (QCE) Modell



F. Weinhold, J. Chem. Phys., 1998, 109, 367-372; 373-384.

NMR chemische Verschiebungen



Molekulardynamik Simulation



Flüssigkeiten sind wechselwirkende Vielteilchen-Systeme.

Verwendung periodischer Randbedingungen in der Simulation.

Metastabiles unterkühltes Wasser





Molekulardynamische Simulation

des ST2-Wassers

bei

<u>330 K</u>

330 K, 270 K, 250 K

Dunkel: Stark verzerrte TetraederHell : Nahezu ideale Tetraeder

Existenzbereich des flüssigen Wassers: Waters no man's land



Sprungdiffusion im unterkühlten Wasser



Dynamik unterkühler Flüssikeiten: Spezialfall "tetrahedral liquids"

"Angell"-Plot des Diffusionskoeffizienten



Tetraedrische Flüssigkeiten nehmen eine Zwischenposition ein

Defektdynamik im überhitzten Eis



Analogie zur Defektdynamik im Eis (hier Simulation) liefert einemögliche Erklärung für die molekulare Dynamik in der superviskosen Flüssigkeit (Bereich: IV)

Wäßrige Elektrolytlösungen

Bevorzugte Assoziation von hydrophoben Teilchen und Anionen (Hofmeister-Serie)



Wäßrige Lösungen:
$c(X^+Y^-) = 1.6 \text{ mol/l}$
c(Xe)=0.8 mol/l
T=300 K, p=1 atm

Film (oben): Blau: Chlorid Rot: Natrium Weiß: Xenon



Phasengleichgewichte:Wasser in Poren

Wasser in hydrophiler Pore

Phasendiagramm des adsorb. Wassers



Vorhersage von Phasengleichgewichten

Perkolationsverhalten von Wasser/THF-Mischungen





Thermotrope Flüssigkristalle

Beispiel einer ferroelektrischen Flüssigkristall (FLC)-Phase



Molekül: MHPOBC; Phase: SmC*; T=375 K, p=1 atm Antiferroelektrisches Verhalten; Sequenz: 12 ns

Orientierung der FLC-Moleküle



Hydratation biologischer Membranen



Voll hydratisierte DPPC (Dipalmitoyl-glycero-phosphatidylcholin)-Doppelschicht Gel-Phase: Hohe Unordnung im Bereich der Alkylketten T=330 K; p=1 atm; Sequenz: 6 ns

Orientierung des Hydrat-Wassers





- α : Dipol
- 0: Molekülebenen-Normale



Orientierung der Kopfgruppen

Atom-Atom-Paarverteilungsfunktionen



Einbau von Anästhetika in die Membran



Hydratationsverhalten von Proteinen



Struktur der hydratisierten S-Nase MD-Simulation der druckinduzierten Denaturierung

Mesoskopische Modelle

Entwicklung vereinfachter "coarse grained" Dissipative Particle Dynamics (DPD)-Modelle



Mit DPD-Modellen ist ein größerer Zeitbereich zugänglich als mittels atomistischer MD. Aber unter Verlußt des atomaren Details.

Mapping der DPD-Parameter



Dank an:

Ralf Ludwig Dietmar Paschek Amelie Rehtanz Ivan Brovchenko Frank Schmauder Ralf Schmelter Nicolai Smolin Sascha Nonn